

## 【2025】2024 级学硕开题

学院：农学院

开题地点：国重楼三楼报告厅

起止时间：2025-10-14 08:30 至 2025-10-14 12:00

学号	姓名	指导教师	论文题目（研究方向）	开题组长（研究方向）	开题委员会组成	开题秘书
2024110084	李芳汀	吴佳洁	小麦抗白粉病新基因 PmVi-7A 的定位与克隆（作物遗传育种）	王翊（西南大学、生物大数据分析可视化）	倪飞（农学院 小麦重要基因资源挖掘）、刘越（中央民族大学 药用植物遗传多样性、功能基因组学）、齐娟（农学院 麦类作物重要农艺性状基因的挖掘与利用）、董玲丽（中国科学院遗传与发育生物学研究所 小麦抗病基因挖掘）、张胜利（河南科技学院 植物基因组学与比较基因组学研究）	侯美
2024110064	李子琪	吴佳洁	小麦抗叶锈基因 LrZM678 的定位与克隆（作物遗传育种）	王翊（西南大学、生物大数据分析可视化）	倪飞（农学院 小麦重要基因资源挖掘）、刘越（中央民族大学 药用植物遗传多样性、功能基因组学）、齐娟（农学院 麦类作物重要农艺性状基因的挖掘与利用）、董玲丽（中国科学院遗传与发育生物学研究所 小麦抗病基因挖掘）、张胜利（河南科技学院 植物基因组学与比较基因组学研究）	侯美
2024110065	吕玥霖	齐娟	大麦雄性育性基因 MsgN6982 的图位克隆与机理解析（作物遗传育种）	王翊（西南大学、生物大数据分析可视化）	吴佳洁（农学院 小麦重要农艺性状基因克隆与功能解析）、倪飞（农学院 小麦重要基因资源挖掘）、刘越（中央民族大学 药用植物遗传多样性、功能基因组学）、董玲丽（中国科学院遗传与发育生物学研究所 小麦抗病基因挖掘）、张胜利（河南科技学院 植物基因组学与比较基因组学研究）	侯美
2024110068	齐志东	倪飞	花药特异表达的 GDSL 酯酶的功能分析（作物遗传育种）	王翊（西南大学、生物大数据分析可视化）	吴佳洁（农学院 小麦重要农艺性状基因克隆与功能解析）、齐娟（农学院 麦类作物重要农艺性状基因的挖掘与利用）、刘越（中央民族大学 药用植物遗传多样性、功能基因组学）、董玲丽（中国科学院遗传与发育生物学研究所 小麦抗病基因挖掘）、张胜利（河南	侯美

					科技学院 植物基因组学与比较基因组学研究)	
2024110070	时雨溪	倪飞	小麦粒重相关基因的功能验证与利用 (作物遗传育种)	王翊 (西南大学、生物大数据分析可视化)	吴佳洁 (农学院 小麦重要农艺性状基因克隆与功能解析)、齐娟 (农学院 麦类作物重要农艺性状基因的挖掘与利用)、刘越 (中央民族大学 药用植物遗传多样性、功能基因组学)、董玲丽 (中国科学院遗传与发育生物学研究所 小麦抗病基因挖掘)、张胜利 (河南科技学院 植物基因组学与比较基因组学研究)	侯美
2024110081	张婷婷	吴佳洁	普通小麦 Ro 抗白粉病与叶锈病的位点挖掘 (作物遗传育种)	王翊 (西南大学、生物大数据分析可视化)	倪飞 (农学院 小麦重要基因资源挖掘)、齐娟 (农学院 麦类作物重要农艺性状基因的挖掘与利用)、刘越 (中央民族大学 药用植物遗传多样性、功能基因组学)、董玲丽 (中国科学院遗传与发育生物学研究所 小麦抗病基因挖掘)、张胜利 (河南科技学院 植物基因组学与比较基因组学研究)	侯美
2024110087	刘璐	吴佳洁	小麦抗条锈病基因 YrNAM 互作蛋白的筛选与功能验证 (作物遗传育种)	王翊 (西南大学、生物大数据分析可视化)	倪飞 (农学院 小麦重要基因资源挖掘)、齐娟 (农学院 麦类作物重要农艺性状基因的挖掘与利用)、刘越 (中央民族大学 药用植物遗传多样性、功能基因组学)、董玲丽 (中国科学院遗传与发育生物学研究所 小麦抗病基因挖掘)、张胜利 (河南科技学院 植物基因组学与比较基因组学研究)	侯美